

## 講演

林崎良英 京都大学 CiRAオープンセミナー  
2015年4月20日 京都大学 i P S細胞研究所  
「New Gene Expression Regulation World Based on Transcriptome Network」

林崎良英 自治医科大学大学院 医学研究科教育委員会主催 大学院特別講義  
2015年5月15日 自治医科大学  
「オミックス医療が拓く未来の予防医療」

林崎良英 第89回未来医療セミナー（大阪大学医学部未来医療交流会講演）  
2015年5月21日 大阪大学  
「オミックス医療が拓く未来の予防医療」

吉原正仁、大宮寛子、Hara Susumu、Kawasaki Satoshi、林崎良英、伊藤昌可、川路英哉、  
Tsujikawa Motokazu、西田幸二 NGS現場の会 第四回研究会  
2015年7月1日 つくば国際会議場  
「FANTOM5データベースを活用した新規角膜内皮細胞特異的マーカーの同定」

野間将平、田上道平、高橋知登世、樽井寛、伊藤昌可 NGS現場の会 第四回研究会  
2015年7月1日 つくば国際会議場  
「rRNA depletion for low input RNA sequencing」

粕川雄也、Abugessaisa Imad、長谷川哲、川路英哉 NGS現場の会 第四回研究会  
2015年7月1日 つくば国際会議場  
「転写開始点リファレンスの構築」

川路英哉 NGS現場の会 第四回研究会（JSBi主催セッション副座長）  
2015年7月1日-7月3日 つくば国際会議場  
「新世代NGSデータとそれを解釈する解析技術」

川路英哉 NGS現場の会 第四回研究会  
2015年7月3日 つくば国際会議場  
「転写開始活性データの計算機解析からアプローチする細胞とゲノム機能の多様性」

林崎良英 A Special Inter-Institutional Seminar  
2015年9月10日 Buffalo(Buffalo-Niagara Medical Center), USA  
「"Multi-omics" Approach for Human Disease Based on Transcription Regulation Network」

Lizio Marina、川路英哉 Stem Cell Epigenetics  
2015年9月20日 Sitges, Spain  
「Gateways to the FANTOM5 promoter level mammalian expressio atlas」

林崎良英 日本腎臓研究会  
2016年1月9日 経団連会館国際会議場  
「オミックス科学が拓く未来の予防医療」

## 学会発表

林崎良英 日本オミックス医療学会 総会・シンポジウム 2015年6月26日  
東京 (ソラシティーカンファレンスセンター)

◎講演

「オミックス科学の予防医療への展開」

川路英哉 第33回日本骨代謝学会学術集会 2015年7月23日 京王プラザホテル

◎講演

「ライフサイエンス研究を加速させる基盤としての大規模ゲノミクス情報」

林崎良英 STSフォーラム第12回年次総会 (2015年) 2015年10月5日 国立京都国際会館

◎講演

「Preemptive Medicine」

林崎良英 第55回日本臨床化学会 年次学術集会 (JSCC55) 2015年10月31日  
大阪大学コンベンションセンター

◎講演

「オミックス科学からみた未来の臨床医療」

吉原正仁、村川泰裕、川路英哉、西川実希、Zayed Hatem、鈴木治和、林崎良英  
第38回日本分子生物学会年会、第88回日本生化学会大会 合同大会 (BMB2015) 2015年12月1日  
神戸ポートアイランド

◎講演

「Transcribed enhancers and their association with human disease」

## 論文

### Original articles

- 1 Arner E., Daub C. O., Vitting-Seerup K., Andersson R., Lilje B., Drablos F., Lennartsson A., Ronnerblad M., Hrydziusko O., Vitezic M., Freeman T. C., Alhendi A. M., Arner P., Axton R., Baillie J. K., Beckhouse A., Bodega B., Briggs J., Brombacher F., Davis M., Detmar M., Ehlund A., Endoh M., Eslami A., Fagiolini M., Fairbairn L., Faulkner G. J., Ferrai C., Fisher M. E., Forrester L., Goldowitz D., Guler R., Ha T., Hara M., Herlyn M., Ikawa T., Kai C., Kawamoto H., Khachigian L. M., Klinken S. P., Kojima S., Koseki H., Klein S., Mejhert N., Miyaguchi K., Mizuno Y., Morimoto M., Morris K. J., Mummery C., Nakachi Y., Ogishima S., Okada-Hatakeyama M., Okazaki Y., Orlando V., Ovchinnikov D., Passier R., Patrikakis M., Pombo A., Qin X. Y., Roy S., Sato H., Savvi S., Saxena A., Schwegmann A., Sugiyama D., Swoboda R., Tanaka H., Tomoiu A., Winteringham L. N., Wolvetang E., Yanagi-Mizuochi C., Yoneda M., Zabierowski S., Zhang P., Abugessaisa I., Bertin N., Diehl A. D., Fukuda S., Furuno M., Harshbarger J., Hasegawa A., Hori F., Ishikawa-Kato S., Ishizu Y., Itoh M., Kawashima T., Kojima M., Kondo N., Lizio M., Meehan T. F., Mungall C. J., Murata M., Nishiyori-Sueki H., Sahin S., Nagao-Sato S., Severin J., de Hoon M. J., Kawai J., Kasukawa T., Lassmann T., Suzuki H., Kawaji H., Summers K. M., Wells C., Hume D. A., Forrest A. R., Sandelin A., Carninci P., Hayashizaki Y. Transcribed enhancers lead waves of coordinated transcription in transitioning mammalian cells. *Science*, **347**, 1010-1014 (2015).
- 2 Lizio M., Harshbarger J., Shimoji H., Severin J., Kasukawa T., Sahin S., Abugessaisa I., Fukuda S., Hori F., Ishikawa-Kato S., Mungall C. J., Arner E., Baillie J. K., Bertin N., Bono H., de Hoon M., Diehl A. D., Dimont E., Freeman T. C., Fujieda K., Hide W., Kaliyaperumal R., Katayama T.,

- Lassmann T., Meehan T. F., Nishikata K., Ono H., Rehli M., Sandelin A., Schultes E. A., t Hoen P. A., Tatum Z., Thompson M., Toyoda T., Wright D. W., Daub C. O., Itoh M., Carninci P., Hayashizaki Y., Forrest A. R., Kawaji H. Gateways to the FANTOM5 promoter level mammalian expression atlas. *Genome Biol*, **16**, 22 (2015).
- 3 Yoshihara M., Ohmiya H., Hara S., Kawasaki S., Hayashizaki Y., Itoh M., Kawaji H., Tsujikawa M., Nishida K. Discovery of molecular markers to discriminate corneal endothelial cells in the human body. *PLoS One*, **10**, e0117581 (2015).
- 4 Yoshihara M., Ohmiya H., Hara S., Kawasaki S., Hayashizaki Y., Itoh M., Kawaji H., Tsujikawa M., Nishida K. Correction: discovery of molecular markers to discriminate corneal endothelial cells in the human body. *PLoS One*, **10**, e0129412 (2015).
- 5 Rackham O. J., Firas J., Fang H., Oates M. E., Holmes M. L., Knaupp A. S., Suzuki H., Nefzger C. M., Daub C. O., Shin J. W., Petretto E., Forrest A. R., Hayashizaki Y., Polo J. M., Gough J. A predictive computational framework for direct reprogramming between human cell types. *Nat Genet*, (2016).

## English reviews

- 1 Murakawa Y., Yoshihara M., Kawaji H., Nishikawa M., Zayed H., Suzuki H., Fantom Consortium, Hayashizaki Y. Enhanced Identification of Transcriptional Enhancers Provides Mechanistic Insights into Diseases. *Trends Genet*, 32(2), 76-88(2016).

## Japanese reviews

- 1 村川 泰裕. 2015年上半期200字解説集. 最新バイオ論文解説 総集編1: 今,この論文が熱い (2015).
- 2 川路 英哉. コマンド解説. 「細胞工学」別冊 次世代シーケンサーDRY解析教本 (2015).

## Japanese Separate volume (単行本)

- 1 林崎 良英, 伊藤 昌可, 伊藤 恵美. 次世代シーケンサー活用術. 次世代シーケンサー活用術 トップランナーの最新研究事例に学ぶ (2015).

## 雑誌等掲載

- 1 Online誌 <http://biomedcircus.com> 2015年4月14日  
「FANTOM5データベースを活用した新規角膜内皮細胞特異的マーカーの同定」
- 2 実験医学 コーナー「カレント・トピックス」 2015年6月22日  
「細胞の状態遷移過程ではエンハンサーが先行して活性化する」